

# Irma Mujkić, profesor biologije - Završni magistarski rad

Fakultet/Akademija	PRIRODNO MATEMATIČKI FAKULTET
Tip Rada	Završni magistarski rad
Kandidat, zvanje	Irma Mujkić, profesor biologije
Naziv Teme	Diverzitet mtDNK u lokalnim izolovanim humanim populacijama sjeveroistočne Bosne
Rezime/Abstract	<p>Diverzitet mtDNK u lokalnim izolovanim humanim populacijama sjeveroistočne Bosne analiziran je u uzorku od 78 individua podjeljenih u tri glavne populacije (sa pripadajućim okolnim selima) planine Konjuh (Tuholj, Pauč, Goletići, Noćajevići, Brateljevići, Gojsalići, Džebari, Kuljani Kršići) i planine Majevisa sa pripadajućim opštinama Teočak (Stari Teočak, Tursunovo Brdo, Glinje, Atmačići, Janjari i Srednja Trnova) i Sapna (Sapna i Vitinica). Molekularna-genetička analiza diverziteta mtDNK obuhvatila je genotipozaciju polimorfizama HVSI CR mtDNK metodom ekstrakcije DNK, amplifikacije i sekvenciranja, pri čemu su determinisane tipične zapadno-evroazijske haplogrupe (H, U, V, HV, J, T, K, W i X) i specifične azijske (M, R, N), te haplogrupa Q tipična za pacifički region. Analiza diverziteta HVSI CR mtDNK u promatranim populacijama sjeveroistočne Bosne izvršena je na nivou unutar i međupopulacijskih genetičkih odnosa na osnovu distribucije haplotipova i haplogrupa, te na osnovu razlika sekvenci HVSI CR mtDNK. Unutarpopulacijska distribucija identifikovanih polimorfizama analiziranih populacija ukazala je na haplogrupnu/haplotipsku specifičnost, najvjerovatnije uslovljenu posljedicom lokalne molekularne divergencije i distanciranošću mtDNK loza, koji se mogu prepoznati u programima identifikovanja lokalnog autohtonog genetičkog diverziteta analiziranih populacija. Analiza međupopulacijskih genetičkih razlika između tri promatrane populacije ukazala je na relativnu mtDNK homogenost genetičke strukture analiziranih populacija sjeveroistočne Bosne. U cilju sagledavanja genetičkih osobnosti lokalnih promatranih populacija sjeveroistočne Bosne izvršena je komparacija dobivenih podataka sa podacima evropskih populacija iz okruženja i izolovanih bosanskohercegovačkih populacija planine Bjelašnice. Međupopulacijska analiza populacija sjeveroistočne Bosne i izolovanih bosanskohercegovačkih populacija planine Bjelašnice sugerira na činjenicu da su lokalno-populacijski obrasci genetičke strukture oblikovani efektima genetičkog drifta, veličinom populacije, stepenom geografske izolacije i utjecajem migracijskih faktora, te mogu egzistirati na nivou značajnih mikrosupopulacijskih razlika i doprinijeti većem stepenu varijacija među populacijama zajedničkog mtDNK fonda. Međupopulacijska analiza između analiziranih populacija sjeveroistočne Bosne i kompariranih evropskih populacija ukazala je na značajnu genetičku razliku između kompariranih populacija sugerirajući na mikrodiferencijaciju evropskog mtDNK fonda uslovljenog značajnim utjecajem demografskih historijskih dešavanja, migracionih kretanja te evolutivnim faktorima.</p>
Datum	21.09.2018
Predsjednik	Dr.sc. Naris Pojskić, vanredni profesor za užu naučnu oblast „Laboratorijske eksperimentalne tehnologije“, Institut za genetičko inženjerstvo i biotehnologiju, i uža naučna oblast „Molekularna populacijska genetika i bioinformatika“, Univerzitet u Sarajevu
Mentor	Dr.sc. Adisa Ahmić, vanredni profesor, za užu naučnu oblast „Genetika, biologija ćelije i mikrobiologija“, Prirodno-matematički fakultet Univerziteta u Tuzli
Član komisije	Dr.sc. Amela Hercegovac vanredni profesor, za užu naučnu oblast „Genetika, biologija ćelije i mikrobiologija“, Prirodno-matematički fakultet Univerziteta u Tuzli
Član komisije	-
Član komisije	-
Zamjenski član	Dr.sc. Amela Karić, docent za užu naučnu oblast „Genetika, biologija ćelije i mikrobiologija“ Prirodno-matematičkog fakulteta Univerziteta u Tuzli
Dodatni detalji i lokacija	dana 21.09.2018. godine (petak) u Sali broj: 211 Prirodno-matematičkog fakulteta Univerziteta u Tuzli, sa početkom u 11 sati
Završne Odredbe	Pristup javnosti je slobodan. Rad se može pogledati u Sekretarijatu fakulteta radnim danom od 08 do 14 sati.