

# **Irma Mujkić, profesor biologije - Završni magistarski rad**

Fakultet/Akademija	PRIRODNO MATEMATIČKI FAKULTET
Tip Rada	Završni magistarski rad
Kandidat, zvanje	Irma Mujkić, profesor biologije
Naziv Teme	Diverzitet mtDNK u lokalnim izolovanim humanim populacijama sjeveroistočne Bosne
Rezime/Abstract	Diverzitet mtDNK u lokalnim izolovanim humanim populacijama sjeveroistočne Bosne analiziran je u uzorku od 78 individua podjeljenih u tri glavne populacije (sa pripadajućim okolnim selima) planine Konjuh (Tuholj, Pauč, Goletići, Noćajevići, Brateljevići, Gojsalići, Džebari, Kuljani Kršići) i planine Majevica sa pripadajućim opštinama Teočak (Stari Teočak, Tursunovo Brdo, Glinje, Atmačići, Janjari i Srednja Trnova) i Sapna (Sapna i Vitinica). Molekularna-genetička analiza diverziteta mtDNK obuhvatila je genotipozaciju polimorfizama HVSI CR mtDNA metodom ekstrakcije DNA, amplifikacije i sekvenciranja, pri čemu su determinisane tipične zapadno-evroazijske haplogrupe (H, U, V, HV, J, T, K, W i X) i specifične azijske (M, R, N), te haplogrupa Q tipična za pacifički region. Analiza diverziteta HVSI CR mtDNA u promatranih populacijama sjeveroistočne Bosne izvršena je na nivou unutar i međupopulacijskih genetičkih odnosa na osnovu distribucije haplotipova i haplogrupa, te na osnovu razlika sekvenci HVSI CR mtDNA. Unutarpopulacijska distribucija identifikovanih polimorfizama analiziranih populacija ukazala je na haplogrupnu/haplotipsku specifičnost, najvjerojatnije uslovljenu posljedicom lokalne molekulare divergencije i distanciranosti mtDNA loza, koji se mogu prepoznati u programima identifikovanja lokalnog autohtonog genetičkog diverziteta analiziranih populacija. Analiza međupopulacijskih genetičkih razlika između tri promatrane populacije ukazala je na relativnu mtDNA homogenost genetičke strukture analiziranih populacija sjeveroistočne Bosne. U cilju sagledavanja genetičkih osobenosti lokalnih promatranih populacija sjeveroistočne Bosne izvršena je komparacija dobivenih podataka sa podacima evropskih populacija iz okruženja i izolovanih bosanskohercegovačkih populacija planine Bjelašnice. Međupopulacijska analiza populacija sjeveroistočne Bosne i izolovanih bosanskohercegovačkih populacija planine Bjelašnice sugerira na činjenicu da su lokalno-populacijski obrasci genetičke strukture oblikovani efektima genetičkog drifta, veličinom populacije, stepenom geografske izolacije i utjecajem migracijskih faktora, te mogu egzistirati na nivou značajnih mikrosubpopulacijskih razlika i doprinijeti većem stepenu varijacija među populacijama zajedničkog mtDNA fonda. Međupopulacijska analiza između analiziranih populacija sjeveroistočne Bosne i kompariranih evropskih populacija ukazala je na značajnu genetičku razliku između kompariranih populacija sugerirajući na mikrodiferencijaciju evropskog mtDNA fonda uslovljenog značajnim utjecajem demografskih historijskih dešavanja, migracionih kretanja te evolutivnim faktorima.
Datum	21.09.2018
Predsjednik	Dr.sc. Naris Pojskić, vanredni profesor za užu naučnu oblast „Laboratorijske eksperimentalne tehnologije“, Institut za genetičko inženjerstvo i biotehnologiju, i uža naučna oblast „Molekularna populacijska genetika i bioinformatika“, Univerzitet u Sarajevu
Mentor	Dr.sc. Adisa Ahmić, vanredni profesor, za užu naučnu oblast „Genetika, biologija ćelije i mikrobiologija“, Prirodno-matematički fakultet Univerziteta u Tuzli
Član komisije	Dr.sc. Amela Hercegovac vanredni profesor, za užu naučnu oblast „Genetika, biologija ćelije i mikrobiologija“, Prirodno-matematički fakultet Univerziteta u Tuzli
Član komisije	-
Član komisije	-
Zamjenski član	Dr.sc. Amela Karić, docent za užu naučnu oblast „Genetika, biologija ćelije i mikrobiologija“ Prirodno-matematičkog fakulteta Univerziteta u Tuzli
Dodatni detalji i lokacija	dana 21.09.2018. godine (petak) u Sali broj: 211 Prirodno-matematičkog fakulteta Univerziteta u Tuzli, sa početkom u 11 sati
Zavrsne Odredbe	Pristup javnosti je slobodan. Rad se može pogledati u Sekretarijatu fakulteta radnim danom od 08 do 14 sati.